

antibodies which react with the native form of the molecule.

5

Sequence Listings

10 Information for SEQ ID1

i) Sequence characteristics

A Length: 1478

B Type: Nucleic acid

15 C Strandedness: Single

ii) Sequence description

67 GTG TCA ACC TGG TTG ATA CGT AGT GGT GAA CCT GTG CAA CAC
20 CGC ACT GAA TTC CCG TTC

127 ATC GCA TTC TTA ACG ACA GAG AGA ACA ATG TGT ACA GST TCA
CTA GTC TCA ACG AGA GCA

25 187 GTA CTC ACA GCT GGT CAT TGT GTT TGC TCA CCA TTG CCA GTG
ATT CGG gtaagagatcgactg

250

aaacacattgttgctcaatgtaatcgattgatttcacagacagtgtttgcgtgtg
30 cgtgcgtttgtgtttgtgtatgca

329 gtgggtttgcatagattttaatgtctatatacttggtattattttcag GTT TCA
TTT CTC ACA CTG AGG AAT

400 GGC GAC CAA CAA GGC ATC CAT CAC CAA CCG TCT GGA GTT AAG
GTG GCA CCA GGA TAC ATG

5 460 CCC TCT TGT ATG TCG GCA CGA CAG AGG AGA CCA ATC GCA CAG
ACA CTC AGT GGA TTC GAT

520 ATT GCA ATT GTA ATG CTG GCT CAA ATG GTC AAC TTA CAG AGT
GGA ATC AGA GTG ATC AGT

10

580 CTG CCA CAG CCA TCG GAT ATC CCG CCA CCT GGA ACT GGT GTT
TTC ATT GTT GGT TAT GGA

15

640 AGG GAT GAT AAC GAC CGT GAT CCG TCA CGT AAG AAT GGT GGA
ATA TTG AAG AAA gtgagtt

701

gttggtgaataaacgacatgactcagtcggtcagtcagatgtcagtcagttattct
gtgtgtctgtgtatctgtttgtgt

20

780

gtctgtctgtctacctgatccggttggtgtattggtcagagccttgataaataaca
actgtgtttggtgactttgtgac

25 859

agttcagtagcagagtgatttccatctcggtcattgtgttggtgaggtgaggtga
cgtgatgtgaggtgagttgaggtga

938

30

gattggatgggatggaatgtgatgtgatgggatgattgagaccacttgaggaga
gaagactcatgaaatatctatgca

Ins
AI
400
410
420
430
440
450
460
470
480
490
500
510
520
530
540
550
560
570
580
590
600
610
620
630
640
650
660
670
680
690
700
710
720
730
740
750
760
770
780
790
800
810
820
830
840
850
860
870
880
890
900
910
920
930
940
950
960
970
980
990
1000

aacgatggaagtgtgttgtgtacatgaagtaggggtcaatgtgtttgagtatgt
gtttggagagtggtgagatggaga

gtgacttgatcgtcgaatatagtgcacatgtgattgtatgtggactattgttgtg
tgggtagtgtaaagggtggatatt

10 gtgccagttgatattttcgaaattcacttggtgtgttttgtttgttccgttgtgt
 tttgttctttctcatctgtactgt

1254acggttggttgactgtactggttggttggttggttggttgccaccacag GGT CGA
GCG ACT ATA ATG GAA TGC

1325CGA CAT GCG ACC AAT GGC AAT CCT ATA TGT GTG AAA GCA GGT
CAG AAT TTC GGA CAG TTA

1385CCC GCT CCA GGT GAC AGT GGT GGA CCT CTC CTC CCA TCC CTT
20 CAA GGT CCA GTA CTC GGT

1445GTC GTA TCA CAT GGT GTC ACA CTG CCA AAC CTT CCC GAT ATC
ATT GTC GAG TAT GCC AGT

25 1505GTG GCT AGA ATG TTG GAT TTT GTA CGC TCC AAT ATT TGA

```

tion for SEQ I
uence character
gth: 106
e: Protein
andedness: Sin
ology: Linear
uence descript
NGD   QQGIHHQPS
RPI   AQTLSEFDI
SLP   QPSDIPPPG
RKN   GGILKK

```

D. Topology: \Linear

CMSARQRRPI AQTLSGFDIA IVMLAQMVNL

15

THE

5

10

- ii) Sequence description

V G Y G R D D N D R ~~D~~ P S R K N

[illegible]